



بخشی از ترجمه مقاله

عنوان فارسی مقاله :

تنوع مورفولوژیکی و ژنتیکی در میان جدایه های مختلف
Magnaporthe grisea جمع آوری شده از Chhattisgarh

عنوان انگلیسی مقاله :

Morphological and genetic variation among different isolates
of Magnaporthe grisea collected from Chhattisgarh



توجه !

این فایل تنها قسمتی از ترجمه میباشد. برای تهیه مقاله ترجمه شده کامل
با فرمت ورد (قابل ویرایش) همراه با نسخه انگلیسی مقاله، [اینجا](#) کلیک نمایید.



بخشی از ترجمه مقاله

Molecular characterization of *M. grisea* isolates by RAPD markers

Out of forty four, Sixteen RAPD markers showed clearly scorable and reproducible polymorphism among *M. grisea* isolates and were selected for analysis. The data was generated using NTSYS (Numerical Taxonomy System, Applied Biostatistics) computer program. Number of amplified band per primer varied from 5 to 14 with an average 8.19 was observed. *M. grisea* isolates from non-rice and rice hosts showed highly contrasting fingerprint patterns that consisted of intense and faint bands (Fig. 3). Cluster analysis of *M. grisea* isolates from four different locations differentiated the rice infecting isolates and non-rice isolates. RAPD analysis of 30 isolates of *M. grisea* using 16 RAPD primers generated a total of 131 bands. Similarity matrices were calculated using NTSYS (Numerical Taxonomy System Biostatistics) computer program. Cluster analysis was done within the SAHN program by using UPGMA (unweighted pair-group method with arithmetic averages) method. Similarity coefficient ranged from 0.51 to 0.89.

خصوصیات مولکولی جدایه‌های *M. grisea* با استفاده از نشانگرهای RAPD

از چهل و چهار نشانگرها، شانزده نشانگر RAPD در جدایه‌های *M. grisea* پلی‌مورفیسم قابل امتیازبندی و تکرارپذیر را نشان دادند و این نشانگرها برای تجزیه و تحلیل انتخاب شدند. داده‌ها با استفاده از برنامه کامپیوتری NTSYS (Numerical Taxonomy System, Applied Biostatistics) تولید شده بودند. تعداد باند تکثیر شده در هر آغازگر از 5 تا 14 تا با میانگین 8/19 بود. جدایه‌های *M. grisea* از میزبان‌های غیر برنج و برنج، الگوهای اثر انگشت بسیار متفاوتی را نشان دادند که شامل باندهای شدید و ضعیف بود (شکل 3). تجزیه خوشه‌ای جدایه‌های *M. grisea* از چهار مکان مختلف، جدایه‌های آلوده کننده برنج و جدایه‌های آلوده کننده گیاهان غیر برنج را تشریح کرد. آنالیز RAPD 30 جدایه *M. grisea* با استفاده از 16 آغازگر RAPD، در مجموع 131 باند را تولید کرد. ماتریس‌های شباهت با استفاده از برنامه کامپیوتری NTSYS (Numerical Taxonomy System Biostatistics) محاسبه شدند. تجزیه و تحلیل خوشه‌ای با استفاده از برنامه SAHN و روش UPGMA (روش جفت‌شده وزندهی نشده با میانگین‌های ریاضی) انجام شد. ضریب همبستگی بین 0/51 تا 0/89 متغیر بود.

توجه!

این فایل تنها قسمتی از ترجمه می‌باشد. برای تهیه مقاله ترجمه شده کامل با فرمت

ورد (قابل ویرایش) همراه با نسخه انگلیسی مقاله، [اینجا](#) کلیک نمایید.

برای جستجوی جدیدترین مقالات ترجمه شده، [اینجا](#) کلیک نمایید.

