



بخشی از ترجمه مقاله

عنوان فارسی مقاله :

ژنومیک تک سلولی: سنگ بنایی برای اکتشافات آینده ایمونولوژی

عنوان انگلیسی مقاله :

Single-Cell Genomics: A Stepping Stone for Future
Immunology Discoveries



توجه !

این فایل تنها قسمتی از ترجمه میباشد. برای تهیه مقاله ترجمه شده کامل با فرمت ورد (قابل ویرایش) همراه با نسخه انگلیسی مقاله، [اینجا](#) کلیک نمایید.



بخشی از ترجمه مقاله

Translational Immunology

Notwithstanding the noteworthy present achievements of single-cell genomics, its full potential to revolutionize immunology and immunotherapy has yet to be fully realized. Lowering costs and constant improvements in single-cell genomic technologies, combined with industrial and academic efforts to make single-cell genomics tools standardized and accessible to academia, the biotech industry, and the clinic, will soon turn single-cell genomics into a commonplace device for basic and applied immunology research. New computational tools are being devised in parallel for the standardization, accumulation, storage, and accessibility of single-cell data, the comparison of current and future datasets, and controlling for the immense variation of the immune system between individuals (Brodin et al., 2015). We envision that in the near future, large patient cohorts of various immune related pathologies (e.g., cancer, leukemia, neurodegeneration, metabolic disease, and autoimmunity) will be profiled with this new molecular microscope (Keren-Shaul et al., 2017; Tirosh et al., 2016), allowing for improved patient stratifications, identification of novel bio-markers, more relevant animal models, prediction of drug responses, and identification of novel cell targets and pathways, leading to new and more precise immunotherapy that is less harmful and more efficient.

ایمنی شناسی ترجمه ای

علیرغم با ارزش بودن دستاوردهای اخیر ژنومیک تک سلول، پتانسیل کامل آن برای ایجاد انقلابی در ایمنی شناسی و ایمونوتراپی هنوز به طور کامل درک نشده است. کاهش هزینه ها و پیشرفت پایدار در فناوری های ژنومیک تک سلول، همراه با تلاش های صنعتی و دانشگاهی در تلاش هستند تا ابزارهای ژنومیک تک سلول را استانداردسازی و برای جوامع علمی، صنایع بیوتکنولوژی و بالین قابل دسترس ساخته و به زودی ژنومیک تک سلول را به ابزاری متداول برای تحقیقات ایمنی شناختی پایه و کاربردی تبدیل خواهند کرد. ابزارهای محاسباتی جدیدی به موازات آن برای استانداردسازی، جمع بندی، ذخیره و دسترسی به داده های تک سلول، مقایسه دیتابیس های موجود و آینده و کنترل تغییرات وسیع سیستم ایمنی بین افراد به وجود آمده اند (Brodin et al., 2015). ما تصور می کنیم که در آینده نزدیک، گروه های بیمار بزرگی از بیماری های مختلف مرتبط با ایمنی (مانند سرطان، لوسمی، تحلیل عصبی، بیماری های متابولیک و خود ایمنی) با استفاده از این میکروسکوپ مولکولی جدید دسته بندی خواهند شد (Keren-Shaul et al., 2017; Tirosh et al., 2016) که امکان طبقه بندی بهتر بیماران، شناسایی بیومارکرهای جدید، مدل های حیوانی مرتبط بیشتر، پیش بینی پاسخ های دارویی و شناسایی اهداف و مسیرهای سلولی جدید را فراهم خواهد کرد که منجر به ایمونوتراپی جدید و دقیق تری با آسیب کمتر و تاثیر بیشتر می شود.



توجه !

این فایل تنها قسمتی از ترجمه میباشد. برای تهیه مقاله ترجمه شده کامل با فرمت

ورد (قابل ویرایش) همراه با نسخه انگلیسی مقاله، [اینجا](#) کلیک نمایید.

برای جستجوی جدیدترین مقالات ترجمه شده، [اینجا](#) کلیک نمایید.