



بخشی از ترجمه مقاله

عنوان فارسی مقاله :

ژن های Hox شروع بیان 5 Tbx5 را در اندام حرکتی جلویی تنظیم می کنند

عنوان انگلیسی مقاله :

Hox genes regulate the onset of Tbx5 expression in the forelimb



توجه !

این فایل تنها قسمتی از ترجمه میباشد. برای تهیه مقاله ترجمه شده کامل با فرمت ورد (قابل ویرایش) همراه با نسخه انگلیسی مقاله، [اینجا](#) کلیک نمایید.



بخشی از ترجمه مقاله

Conservation of the *Tbx5* forelimb regulatory element

The forelimb/pectoral fin-specific expression pattern of *Tbx5* is conserved in all vertebrate species analysed and one would therefore expect this regulatory element to be conserved. Phylogenetic footprinting has proven very useful for the identification of many essential regulatory regions (reviewed by Boffelli et al., 2004); however, this type of analysis failed to detect any conserved non-coding elements (CNEs) within *Tbx5* intron 2. Although we found a CNE among amniotes (i.e. chicken and mammals) in silico, this was distinct from the forelimb-expression regulatory element we have characterised in vivo and in vitro, and this CNE was not able to drive reporter expression when assayed in our system (Fig. 1A, construct 0.8 RV). When we looked for and analysed CNEs more closely within the intron 2 sequence, we found various stretches of DNA that were conserved only between mammals. The most distant phylogenetic conservation detected lay within the opossum genome and the region of conservation contained only one of the six Hox binding sites (Hbs4) that we have shown here to be required for forelimb expression in the mouse.

حفظ عنصر تنظیمی *Tbx5* اندام حرکتی جلویی

الگوی بیان اختصاصی باله جلویی/باله سینه‌ای ژن *Tbx5* در تمام گونه‌های مهره دار مطالعه شده حفظ شده است بنابراین انتظار می‌رود این عنصر تنظیمی نیز حفظ شده باشد. ثابت شده است که رد پا^۱ فیلوزنیکی برای شناسایی بسیاری از نواحی تنظیمی ضروری بسیار مفید است (Boffelli et al., 2004). با این حال، این نوع آنالیز برای شناسایی هر گونه عناصر غیر کد کننده حفظ شده (CNE‌ها) درون اینترون 2 با شکست مواجه شده است. اگرچه ما یک CNE در میان آمینونداری (یعنی جوجه و پستانداران) در *in silico* یافته‌یم، این از عنصر تنظیمی بیانی اندام حرکتی جلویی که ما در *in vitro* و *in vivo* شناسایی کردیم مشخص است و این CNE قادر به پیش برد بیان گزارشگر هنگامی که در سیستم ما ارزیابی می‌شود نیست (Fig. 1A, construct 0.8 RV). هنگامی که ما در جستجو در آنالیز CNE‌ها نزدیک تر با توالی اینترون 2 بودیم، قطعات مختلفی از DNA را که تنها بین پستانداران حفظ شده بودند یافتیم. دورترین حفاظت فیلوزنی در ژنوم صاریخ^۲ شناسایی شده است و ناحیه حفاظت شده تنها حاوی یکی از جایگاه‌های اتصال Hox است (Hbs4) که ما در اینجا نشان دادیم که برای بیان اندام حرکتی جلویی در موش ضروری است.



توجه!

این فایل تنها قسمتی از ترجمه می‌باشد. برای تهیه مقاله ترجمه شده کامل با فرمت ورد (قابل ویرایش) همراه با نسخه انگلیسی مقاله، [اینجا](#) کلیک نمایید.

برای جستجوی جدیدترین مقالات ترجمه شده، [اینجا](#) کلیک نمایید.