



بخشی از ترجمه مقاله

عنوان فارسی مقاله :

متاپروتئومیکس: مطالعه بیان ژن عملکردی در اکوسیستم های میکروبی

عنوان انگلیسی مقاله :

Metaproteomics: studying functional gene expression in
microbial ecosystems



توجه !

این فایل تنها قسمتی از ترجمه میباشد. برای تهیه مقاله ترجمه شده کامل با فرمت ورد (قابل ویرایش) همراه با نسخه انگلیسی مقاله، [اینجا](#) کلیک نمایید.



بخشی از ترجمه مقاله

Future perspectives

Despite the limited number of environmental proteomic investigations that has been carried out, it is clear that metaproteomics has huge potential in the field of environmental microbiology. Although it remains a daunting task to elucidate all of the functional proteins that are contained within an environmental sample, metaproteomics will find immediate use in studies focusing only on parts of expressed environmental proteomes. Investigations that focus on limited numbers of highly expressed proteins can have immediate impacts on developments in the field. For example, activated sludges with sequentially increased phosphorus removal performance were analysed by 2D-PAGE. The resulting gels contained several conserved protein constellations that provided a proteomic fingerprint of EBPR (Figure 2). The identification of such proteomic markers could lead to the development of functional protein arrays for monitoring the activity of microbial communities in environmental systems or, in the case of activated sludge, accurate process control. Alternatively, these markers form good targets for identification by western blot analysis.

چشم انداز آینده

با وجود تعداد محدودی پژوهش‌های انجام شده در مورد پروتئوم محیطی، واضح است که متاپروتومیکس پتانسیل زیادی در زمینه میکروبیولوژی محیطی دارد. اگر چه توضیح قام پروتئین‌های موجود در یک فونه محیطی یک وظیفه دلهره‌آور است، استفاده از متاپروتومیکس در مطالعات متمرکز بر بخش‌هایی از پروتئوم‌های محیطی بیان شده ضروری خواهد بود. تحقیقات متمرکز بر تعداد محدود پروتئین‌های بسیار بیان شده، تاثیر فوری بر تحولات این حوزه دارد. برای مثال، لجن‌های فعال با عملکرد حذف فسفر فعال شده به صورت پی‌درپی، با 2D-PAGE تجزیه و تحلیل می‌شود. ژل حاصل حاوی چندین شکل پروتئین حفاظت شده است که یک اثر انگشت پروتومیکی از EBPR را فراهم می‌کند (شکل 2). شناسایی چنین نشانگرهای پروتومی می‌تواند منجر به گسترش آرایه‌های پروتئین‌های کاربردی برای نظرارت بر فعالیت جوامع میکروبی در سیستم‌های محیطی یا در مورد لجن فعال، منجریه کنترل دقیق فرآیند شود. به طور جایگزین، این نشانگرهای اهداف خوبی را برای شناسایی از طریق تجزیه و تحلیل وسترن بلات تشکیل می‌دهند.

توجه !

این فایل تنها قسمتی از ترجمه میباشد. برای تهیه مقاله ترجمه شده کامل با فرمت

ورد (قابل ویرایش) همراه با نسخه انگلیسی مقاله، [اینجا](#) کلیک نمایید.

برای جستجوی جدیدترین مقالات ترجمه شده، [اینجا](#) کلیک نمایید.

