



بخشی از ترجمه مقاله

عنوان فارسی مقاله :

ژنومیکس کروکوس ساتیووس L. و کاربردهای مختلف بارکد DNA

عنوان انگلیسی مقاله :

Crocus sativus L. genomics and different DNA

barcode applications



توجه !

این فایل تنها قسمتی از ترجمه میباشد. برای تهیه مقاله ترجمه شده کامل با فرمت ورد (قابل ویرایش) همراه با نسخه انگلیسی مقاله، [اینجا](#) کلیک نمایید.



بخشی از ترجمه مقاله

Results and discussion

Crocus genus and, in particular, *C. sativus* species, whose dried stigmas are the source of saffron, have captured human attention since the ancient past. This spice increased its economic value along the time and, nowa-days, it is produced worldwide with a million dollar commercial cost (Negbi 1999). *Crocus sativus* triploidy and infertility motivated scientists to research its genetic origin. Many morphological studies, but only a few molecular approaches (RAPD and AFLP), were conducted to clarify *Crocus* phylogeny: no absolute and clear results were obtained (Grilli Caiola and Canini 2010), except for Petersen et al. (2008) that, for the first time, performed the sequencing of five plastid genes on *Crocus* samples to

solve this question. To confirm and clarify further *C. sativus* putative ancestors, DNA barcode method was re-applied in the present work, this time analyzing other plastidial (*rbcL*, *matK* and *trnH-psbA*) and also nuclear (ITS) barcode regions, and new information were gained. Hispanic *C. sativus* (ES), *C. carpetanus* and *C. serotinus* plants and Italian *C. cartwrightianus*, *C. hadriaticus*, *C. thomasi* and *C. sativus* (IT) species were subjected to genetic characterization. Total DNA was extracted from samples and used, as template, for PCR amplifications. Barcode genes were analyzed in all samples.

نتایج و بحث

جنس کروکوس، به ویژه، گونه‌های کروکوس ساتیووس، که کلاله‌های خشک آن‌ها منبع زعفران می‌باشد، توجه انسان‌ها را از قبل از باستان به خودش جلب کرده است. این ادویه ارزش اقتصادی خودش را با گذشت زمان افزایش داده است و امروزه، آن با ارزش اقتصادی یک میلیون دلار، در سرتاسر دنیا به فروش می‌رسد (Negbi 1999). تریپلوئیدی و ناباروری کروکوس ساتیووس، دانشمندان را تحریک کرده است که در مورد منشأ ژنتیکی آن پژوهش کنند. بسیاری از مطالعات مورفولوژیکی، و تنها یک تعداد کمی از روش‌های مولکولی (RAPD and AFLP) برای تعیین فیلوژنی کروکوس مورد استفاده قرار گرفته‌اند: هیچ نتیجه قطعی و واضحی به دست نیامده است (Grilli Caiola and Cantini 2010) به جز در مورد پترسون و همکارانش (2008) که برای اولین بار توالی یابی 5 ژن پلاستییدی را روی نمونه‌های کروکوس اجرا کردند تا این مساله را حل کنند. برای تایید و شفاف سازی بیشتر اجداد مفروض کروکوس ساتیووس، روش بارکد DNA مجدداً در کار اخیر مورد استفاده قرار گرفت این بار سایر نواحی بارکد هسته‌ای (ITS) و پلاستییدی (*rbcL*, *matK*, *trnH-psbA*) مورد آنالیز قرار گرفتند و اطلاعات جدیدی به دست آمدند. گیاهان Hispanic کروکوس ساتیووس (ES)، *C. carpetanus* و *C. serotinus* و *C. cartwrightianus*، *C. hadriaticus*، *C. thomasi* و گونه‌های کروکوس ساتیووس (IT) در معرض تعیین خصوصیات شیمیایی قرار گرفتند. DNA کل از نمونه‌های جمع آوری شد و به عنوان الگو برای تکثیر PCR مورد استفاده قرار گرفت.



توجه!

این فایل تنها قسمتی از ترجمه میباشد. برای تهیه مقاله ترجمه شده کامل با فرمت

ورد (قابل ویرایش) همراه با نسخه انگلیسی مقاله، [اینجا](#) کلیک نمایید.

برای جستجوی جدیدترین مقالات ترجمه شده، [اینجا](#) کلیک نمایید.