



بخشی از ترجمه مقاله

عنوان فارسی مقاله :

بارکدینگ DNA برای شناسایی مواد موجود در گیاه طبی

عنوان انگلیسی مقاله :

DNA barcoding of medicinal plant material
for identification



توجه !

این فایل تنها قسمتی از ترجمه میباشد. برای تهیه مقاله ترجمه شده کامل با فرمت ورد (قابل ویرایش) همراه با نسخه انگلیسی مقاله، [اینجا](#) کلیک نمایید.



بخشی از ترجمه مقاله

Conclusion

Molecular barcoding methods are reliable tools for the identification of medicinal plants, their substitutes and adulterants at the genus and species level. The methods discussed provide consistent and reliable results regardless of the age, plant part, or environmental factors of the sample.

Based on the literature analyzed in this review, it appears that, although the Barcode of Life Plant Working Group [5] recommends the genomic regions *rbcL* + *matK* for barcoding, often other genomic regions could be more useful for medicinal material identification. Furthermore, depending on the material analyzed, one or the combination of up to three genomic regions was necessary to provide the required information for identification.

Because of the increasing demand for herbal remedies, authentication of the medicinal plant material is important; therefore it is vital to provide a sole, extensive database with DNA data for easy identification.

نتیجه گیری

روشهای مولکولی کد گذاری میله ای ابزارهای معتبری برای شناسایی گیاهان طبی، جانشین ها و ناخالصی های آنها در سطح جنس و گونه ای است. روش های بررسی شده نتایج همسو و معتبری را صرف نظر از سن، بخش گیاه، یا عوامل محیطی نمونه ارائه می دهند.

بر اساس دست نوشته های علمی تحلیل شده در این مقاله، چنین به نظر می رسد که اگر چه بارکدگروه کاری زندگی گیاه بار گذاری نواحی ژنومی *rbcL*+*matK* را توصیه می کند، اما سایر مناطق ژنومی برای شناسایی مواد طبی مفید تر هستند. بعلاوه، بسته به ماده تحلیل شده، یک یا ترکیب حدود سه منطقه ژنومی برای ارائه و تهیه اطلاعات مورد نیاز شناسایی و تشخیص مورد نیاز بود.

به علت افزایش تقاضا برای درمان های گیاهی، اثبات درستی ماده گیاه طبی مهم است، و از این رو پایه ریزی و ساخت بانک اطلاعاتی منحصراً بپردازد، وسیع دارای داده های DNA جهت تشخیص آسان مواد گیاه حیاتی است.

پیشرفت های بیشتر توالی و ردیف گذاری جهت تحلیل توالی های بزرگ مقیاس اسید هسته ای برای شناسایی تاکسونی و ژنوتیپ ها حتی در الگو DNA بسیار آسیب دیده یا چند بخشی شده بسیار مهم هستند. داده های کامل توالی ژنومی گیاهان طبی در آینده نزدیک در دسترس خواهند بود. چالش ما تهیه فضا کافی برای ذخیره تمامی داده های تولید شده است.



توجه!

این فایل تنها قسمتی از ترجمه میباشد. برای تهیه مقاله ترجمه شده کامل با فرمت

ورد (قابل ویرایش) همراه با نسخه انگلیسی مقاله، [اینجا](#) کلیک نمایید.

برای جستجوی جدیدترین مقالات ترجمه شده، [اینجا](#) کلیک نمایید.