



## بخشی از ترجمه مقاله

عنوان فارسی مقاله :

شناسایی ژن های عامل بیماری با استفاده از ارائه مبتنی بر  
وب معنایی تلفیق دانش ژنومیکی و فنومیکی

عنوان انگلیسی مقاله :

Identifying disease-causal genes using Semantic Web-based  
representation of integrated genomic and phenomic knowledge



توجه !

این فایل تنها قسمتی از ترجمه میباشد. برای تهیه مقاله ترجمه شده کامل  
با فرمت ورد (قابل ویرایش) همراه با نسخه انگلیسی مقاله، [اینجا](#) کلیک نمایید.



## بخشی از ترجمه مقاله

### 6. Conclusion

We have used for the first time in human disease gene prioritization a combination of both mouse phenotype and human disease clinical features from OMIM clinical synopsis. In addition to such extended coverage of knowledge sources used, we have also shown for the first time that one can leverage Semantic Web standards and techniques applied to a specific biological problem. The direct use of W3C's RDF and OWL standards for knowledge integration, the application of network centrality analysis for mining and the retrieving of ranked results using graph query languages such as SPARQL. Although in this current study we focused on the cardiovascular system, our approach can be applied to any group of genes or diseases. One immediate application could be to apply our methods to all OMIM diseases (around 1554) having known loci but unknown molecular basis.

### 6. نتیجه گیری

ما برای اولین بار در انسان اولویت بندی ژن بیماری را با ترکیبی از هر دو فنوتیپ موش و ویژگی های بالینی بیماری های انسانی از خلاصه بالینی OMIM انجام دادیم. علاوه بر این با چنین پوشش گسترده ای از منابع دانش استفاده شده، ما نیز برای اولین بار نشان دادیم که توانستیم از استانداردهای وب معنایی و تکنیک های اعمال شده با یک مشکل بیولوژیکی خاص به کار ببریم. استفاده مستقیم از RDF W3C و استانداردهای OWL برای ادغام دانش، برنامه های کاربردی شبکه های محوری را برای استخراج و بازیابی نتایج رتبه بندی شده با استفاده از زبان های نمودار جستار مثل SPARQL مورد تجزیه و تحلیل قرار دادیم. اگر چه در این مطالعه ما بر روی سیستم قلبی - عروقی تمرکز کردیم، رویکرد ما می تواند در هر گروه از ژن ها و یا بیماری به کار برده شود. یک برنامه کاربردی فوری می تواند با اعمال روش های ما در تمام بیماری های OMIM (حدود 1554) مکان ها را شناسایی کند، اما اساس مولکولی ناشناخته بماند.



توجه!

این فایل تنها قسمتی از ترجمه میباشد. برای تهیه مقاله ترجمه شده کامل با فرمت ورد (قابل ویرایش) همراه با نسخه انگلیسی مقاله، [اینجا](#) کلیک نمایید.

برای جستجوی جدیدترین مقالات ترجمه شده، [اینجا](#) کلیک نمایید.