



بخشی از ترجمه مقاله

عنوان فارسی مقاله :

پیشرفت های حاصله در تجزیه و تحلیل پروتئوم غشاء

(Arabidopsis) خردل (پلاسمایی خردل)

عنوان انگلیسی مقاله :

Advancements in the analysis of the Arabidopsis plasma membrane proteome

توجه !



این فایل تنها قسمتی از ترجمه میباشد. برای تهیه مقاله ترجمه شده کامل با فرمت ورد (قابل ویرایش) همراه با نسخه انگلیسی مقاله، [اینجا](#) کلیک نمایید.



بخشی از ترجمه مقاله

CONCLUSION AND FUTURE PROSPECTS

Analysis of the *Arabidopsis* PM proteome over the last 15 years has uncovered many new insights into plant cell membrane structure and function. Recent studies have greatly advanced our understanding of PM microdomain behavior and receptor kinase-mediated signaling in *Arabidopsis* (Tang et al., 2010; Simon-Plas et al., 2011). Both top-down and bottom-up proteomics studies have been instrumental in the large-scale analysis of protein phosphorylation events during hormone and stress signaling, which otherwise would be impossible to study using alternative experimental approaches (Kline-Jonakin et al., 2011). Many other post-translational modifications control protein function, and we are only beginning to understand the intricacies of protein regulation. The development of proteomics approaches to study PTMs outside of phosphorylation will undoubtedly uncover additional layers of complexity in plant signaling networks.

نتیجه گیری و چشم اندازهای آینده

تجزیه و تحلیل پروتئوم غشاء پلاسمایی (PM) گیاه خردل (*Arabidopsis*) در 15 سال گذشته بینش های بسیار جدیدی را درباره ساختار غشاء سلول های گیاهی و کارکرد آن ها کشف نموده است. مطالعات اخیر تا حد زیادی درک و شناخت ما درباره رفتار ریزدانه غشاء پلاسمایی (PM) و کیناز گیرنده دخیل در سیگنال دهنی را در گیاه خردل (*Arabidopsis*) ارتقاء داده است (تانگ و همکاران، 2010؛ سیمون - پلاس و همکاران، 2011). هم مطالعات رویکردهای پروتومیکس بالا به پایین و هم مطالعات رویکردهای پایین به بالا در تجزیه و تحلیل رویدادهای فسفوریلاسیون پروتئین در مقیاس بزرگ در خلال سیگنال دهنی تنش و هورمون کارساز هستند، در غیر این صورت مطالعه این موارد با استفاده از رویکردهای تجربی جایگزین غیر ممکن خواهد بود (کلاین - چوناکین و همکاران، 2011). بسیاری از تغییرات پساترجمه ای دیگر بر کارکرد پروتئین کنترل دارند، و ما فقط شروع به شناخت پیچیدگی های تنظیم پروتئین نمودیم. توسعه رویکردهای پروتومیکس به منظور مطالعه تغییرات یا اصلاحات پساترجمه ای پروتئین (PTM) خارج از فسفوریلاسیون بدون شک منجر به کشف لایه های دیگری از پیچیدگی های موجود در شبکه های سیگنال دهنی گیاهی می گردد.



توجه !

این فایل تنها قسمتی از ترجمه میباشد. برای تهیه مقاله ترجمه شده کامل با فرمت ورد (قابل ویرایش) همراه با نسخه انگلیسی مقاله، [اینجا](#) کلیک نمایید.

برای جستجوی جدیدترین مقالات ترجمه شده، [اینجا](#) کلیک نمایید.