



بخشی از ترجمه مقاله

عنوان فارسی مقاله :

چگونه میتوکندری گیاه مانع ورود پروتئین های کلروپلاست می شود؟ اجزای سازنده
ابزار ورود Tom 20 ، Tom 22 در Arabidopsis متفاوت
از همتایان قارچی آنها می باشد.

عنوان انگلیسی مقاله :

How Do Plant Mitochondria Avoid Importing Chloroplast Proteins?
Components of the Import Apparatus Tom20 and Tom22 from
Arabidopsis Differ from Their Fungal Counterparts1



توجه !

این فایل تنها قسمتی از ترجمه میباشد. برای تهیه مقاله ترجمه شده کامل
با فرمت ورد (قابل ویرایش) همراه با نسخه انگلیسی مقاله، [اینجا](#) کلیک نمایید.



بخشی از ترجمه مقاله

CONCLUDING REMARKS

Major genome and transcriptome sequencing projects in several species of plants are generating a wealth of information, and analysis of the data can provide models on which to base future experiments to tease apart the function of the machinery mediating various cellular processes. Comparative sequence

analyses of several components of the TOM machinery suggest that it is highly conserved in plants and have provided insight into features such as the ubiquitous need for the trans receptor domain that were not obvious from previous analyses of the protein from *N. crassa* and yeast alone. Perhaps most important, the absence of the crucial cis receptor domain specifically from plant Tom22 and changes in the partner receptor Tom20 hint at a rearrangement of the TOM complex's receptor function. A fascinating possibility is that the truncation of Tom22 was required for mitochondria and plastids to cohabit within the same cell. While a detailed phylogenetic analysis awaits sequencing of Tom22 from more primitive plants, experiments are under way in several laboratories to understand how precursor proteins are selected for import into mitochondria, chloroplasts, and other organelles of the plant cell.

توضیحات نتیجه گیری

پروژه های ژنوم عمده و ترتیب دهی ترانسکریپتوم (رونوشت) در چندین گونه گیاهی اطلاعات ارزشمندی فراهم کرده و آنالیز داده ها می تواند مدل هایی برای آزمایشات بیشتر برای جدا ساختن عملکرد دستگاهی فراهم کند که محل انجام پروسه های مختلف سلولی است. آنالیزهای مقایسه ای توالی چندین جزء از دستگاه Tom بیان گرانیست که این دستگاه در گیاهان کاملاً حفظ شده و بینشی در مورد یژگی هایی نظیر نیاز موجود برای محدوده پذیرنده ترانس فراهم می کند که از آنالیزهای قبلی در مورد پروتئین *N.Crassa* و مخمر آشکار نشده بود. شاید مهمترین مسئله فقدان محدوده حیاتی پذیرنده *cis* به ویژه از *Tom22* گیاه بوده و تغییرات در پذیرنده شریک *Tom20* به تنظیم مجدد عملکرد پذیرنده *Tom* اشاره دارد. یک احتمال فریبنده این است که قطع *Tom22* برای میتوکندری لازم بوده و پلاستیدها نیز در همان سلول ساکن هستند. درحالیکه یک آنالیز کامل فلورنتیک برای توالی *Tom22* بیشتر گیاهان اولیه لازم است *S.cerevisiae*, *Schizosaccharomyces* و *Botryritiscinerea* با *N.rassa* در مورد بقایای مهم حفظ شدند.



توجه !

این فایل تنها قسمتی از ترجمه میباشد. برای تهیه مقاله ترجمه شده کامل با فرمت ورد (قابل ویرایش) همراه با نسخه انگلیسی مقاله، [اینجا](#) کلیک نمایید.

برای جستجوی جدیدترین مقالات ترجمه شده، [اینجا](#) کلیک نمایید.