



بخشی از ترجمه مقاله

عنوان فارسی مقاله :

یک دهه از مطالعات همخوانی سراسر ژنوم برای بیماری عروق کرونری:
چالش های پیش رو

عنوان انگلیسی مقاله :

A decade of genome-wide association studies for
coronary artery disease: the challenges ahead



توجه !

این فایل تنها قسمتی از ترجمه میباشد. برای تهیه مقاله ترجمه شده کامل با فرمت ورد (قابل ویرایش) همراه با نسخه انگلیسی مقاله، [اینجا](#) کلیک نمایید.



بخشی از ترجمه مقاله

4. Conclusion

The last decade of genomic research has led to the identification of 163 common genetic loci conferring modest risk for CAD and MI. It is foreseeable that more variants will be identified by increasing GWAS sample sizes. In addition, whole-exome and whole-genome sequencing studies have identified rare risk variants in families and large patient cohorts with stronger effects. Nevertheless, although only part of the heritable risk for CAD is yet explained, we have developed a much more comprehensive picture of the biology underlying the disease, and with increasing numbers of functional studies aiming to decipher the link between genetic variation and CAD, we will finally identify novel treatment targets, as exemplified by *PCSK9*, *ANGPTL4*, *ANGPTL3*, and *GUCY1A1*. Hence, the findings generated by CAD GWAS represent an excellent starting point for the development of individualized treatment strategies in the future.

۴. نتیجه گیری

دهه گذشته hc تحقیقات ژنومی به شناسایی ۱۶۳ لوکوس ژنتیکی مشترک انجامیده است که حاوی خطر کمتری برای CAD و MI هستند. قابل پیش بینی است که با افزایش سائز نمونه GWAS، واریانت های بیشتر شناسایی می شوند. علاوه بر این، مطالعات توالی یابی کل ژنوم و کل exome یک واریانت خطر نادر را در خانواده ها و گروه های بزرگ بیمار با اثرات قوی نشان داده است. علیرغم این، هر چند که هنوز بخشی از خطر وراثت به CAD هنوز توضیح داده شده است، ما تصویر جامعی از بیولوژی اساسی بیماری توسعه داده ایم. و با افزایش تعداد مطالعات کاربردی با هدف کشف ارتباط بین تنوع ژنتیکی و CAD، ما در نهایت اهداف درمانی جدید را شناسایی خواهیم کرد، همانطور که توسط *PCSK9*، *ANGPTL4*، *ANGPTL3* و *GUCY1A1* با نمونه نشان داده شده است. از این رو، یافته های تولید شده توسط CAD GWAS نشان دهنده ی یک نقطه شروع عالی برای توسعه استراتژی های درمان فردی در آینده است.



توجه!

این فایل تنها قسمتی از ترجمه میباشد. برای تهیه مقاله ترجمه شده کامل با فرمت ورد (قابل ویرایش) همراه با نسخه انگلیسی مقاله، [اینجا](#) کلیک نمایید.

برای جستجوی جدیدترین مقالات ترجمه شده، [اینجا](#) کلیک نمایید.