



بخشی از ترجمه مقاله

عنوان فارسی مقاله :

کنفرانس بین المللی پزشکی و زیست شناسی هوشمند (ICIBM) 2016:
از داده های بزرگ تا ابزارهای تحلیلی بزرگ

عنوان انگلیسی مقاله :

The International Conference on Intelligent Biology and
Medicine (ICIBM) 2016: from big data to big analytical tools



توجه !

این فایل تنها قسمتی از ترجمه میباشد. برای تهیه مقاله ترجمه شده کامل
با فرمت ورد (قابل ویرایش) همراه با نسخه انگلیسی مقاله، [اینجا](#) کلیک نمایید.



بخشی از ترجمه مقاله

Scaffold proteins play a critical role in various bio-logical signaling processes. While many databases were documented to link to the signaling pathways, few databases are devoted to the scaffold proteins that mediate signal transduction. Here, Han et al. [9] developed a user-friendly interface database, ScaPD, to curate computationally predicted, experimentally validated scaffold proteins and associated signaling pathways. It currently contains 273 scaffold proteins and 1118 associated signaling pathways. The database allows users to search, navigate and download the scaffold protein-mediated signaling networks. Manually curated and predicted scaffold protein data form a foundation for further investigation of scaffold proteins and signal transduction. ScaPD will also be a valuable resource for understanding how individual signaling pathways are regulated.

پروتئین های داربستی (Scaffold) نقش حیاتی ای در فرایند های علامت دهی بیولوژیکی ایفا می کنند. درحالیکه بسیاری از پایگاه های داده در ارتباط با مسیرهای علامت دهی مستند سازی شده اند، تعداد اندکی از پایگاه های داده به پروتئین های داربستی که انتقال سیگنال را مرمت می کنند، اختصاص یافته اند. در اینجا، [9] Han et al. یک پایگاه داده ی رابط کاربر پسند ScaPD، برای مرتب کردن پروتئین های داربستی و مسیرهای علامت دهی همراه آنها که از نظر محاسباتی، پیش بینی شده و از نظر تجربی اعتبار سنجی شده است، توسعه داده است. این پایگاه در حال حاضر حاوی 273 پروتئین داربستی و 1118 مسیر سیگنال دهی همراه، می باشد. پایگاه داده به استفاده کننده ها امکان می دهد شبکه های علامت دهی متصل به پروتئین داربستی را جستجو، رهیابی و دانلود کنند. داده های به صورت دستی مرتب و پیش بینی شده ی پروتئین داربستی یک پایه و اساس برای تحقیقات آینده ی پروتئین های داربستی و انتقال سیگنال، شکل می دهند. ScaPD همچنین یک منبع با ارزش برای درک اینکه چگونه مسیرهای سیگنال دهی مجزا تنظیم می شوند، می باشد.



توجه!

این فایل تنها قسمتی از ترجمه میباشد. برای تهیه مقاله ترجمه شده کامل با فرمت ورد (قابل ویرایش) همراه با نسخه انگلیسی مقاله، [اینجا](#) کلیک نمایید.

برای جستجوی جدیدترین مقالات ترجمه شده، [اینجا](#) کلیک نمایید.