



## بخشی از ترجمه مقاله

عنوان فارسی مقاله :

تحلیل ژنتیکی تنوع ماده اصلی وراثت نیشکر محلی چینی مبتنی  
بر چند ریختگی آماچ رمز آغازگر

عنوان انگلیسی مقاله :

Genetic Analysis of Diversity within a Chinese Local Sugarcane  
Germplasm Based on Start Codon Targeted Polymorphism



توجه !

این فایل تنها قسمتی از ترجمه میباشد. برای تهیه مقاله ترجمه شده کامل  
با فرمت ورد (قابل ویرایش) همراه با نسخه انگلیسی مقاله، [اینجا](#) کلیک نمایید.



## بخشی از ترجمه مقاله

## 4. Discussion and Conclusions

Improvement of sugarcane through genetic manipulation based on sexual crossing has been a directed, ongoing process since 1888 [5]. However, conventional breeding technology generally takes 12 to 15 years to develop a sugarcane cultivar with the first selection cycle on about 0.3 million seedlings. Because sugarcane is a clonally propagated crop, creation of new genotypes is only done through sexual crossing. The seedling and ratoon crops of new genotypes are subjected to several cycles of evaluation and selection under various

environments in comparison to concurrent elite cultivars as checks [1]. Choosing parental accessions is the most crucial step in any sugarcane improvement program. There has never been single incidence of developing a sugarcane cultivar out of a poor cross [1, 5-7]. Therefore, genetic diversity analysis of sugarcane germplasm based on molecular evaluation and characterization is the basis for effective germplasm utilization. A high genetic diversity and complementarity between two parental accessions are crucial for producing high quality seedling populations of hybrid progeny [1, 4-7].

## 4- استدلال و نتیجه گیری

اصلاح نیشکر به وسیله دستکاری ژنتیکی مبتنی بر دو رگه گیری و آمیزش جنسی از سال 1888 یک پروسه هدفمند و پیوسته بوده است. معهذالک، طول مدت تکنولوژی مرسوم اصلاح نژاد به منظور توسعه کشت واره نیشکر با چرخه اول انتخاب حدود 0.3 میلیون نهال بذری 12 تا 15 سال طول می کشد. از آنجایی یک نیشکر یک محصول انتشار یافته کلونی است، خلق ژنوتیپ های جدید فقط با دورگه گیری و آمیزش جنسی انجام می شود. برخلاف کشت واره های برگزیده هم زمان که نوعی محصول کنترل تلقی می شوند، محصولات نهال بذری و جوانه تازه نیشکر ژنوتیپ های جدید تحت شرایط محیطی برگزیده در معرض و مشمول چندین چرخه ارزیابی و انتخاب قرار می گیرند. انتخاب الحاق های پدر و مادری مهمترین مرحله در برنامه اصلاح نیشکر است. هرگز تلاقی و بروز محصول ناشی از پرورش کشتواره نیشکر در خارج از چلیپا ضعیف وجود نداشته است. بنابراین، تحلیل تنوع ژنتیکی ماده اصلی وراثت نیشکر مبتنی بر ارزیابی و تشخیص مولکولی اساس و پایه کاربرد موثر ماده اصلی وراثت است. تنوع و کمال بالا ژنتیکی بین دو الحاق پدر و مادری برای تولید نمونه با کیفیت نهال بذری از نتیجه و تولید مثل هیبرید مهم هستند.



## توجه!

این فایل تنها قسمتی از ترجمه میباشد. برای تهیه مقاله ترجمه شده کامل با فرمت

ورد (قابل ویرایش) همراه با نسخه انگلیسی مقاله، [اینجا](#) کلیک نمایید.

برای جستجوی جدیدترین مقالات ترجمه شده، [اینجا](#) کلیک نمایید.